

1880	1900 *	1920
CAGAATTTTA TTTGGTTTT GGGTTTTGTT GAATTTTTTA GATAATTATT TTAAATATTC		
1940	1960	1980
TGCATAAATT TTCTGTTATT TGAATAAGGAT GPTCGAATTT TTTTCAAAA TTGAAACGTT		
2000 *	2020	2040
TAAGAATTTT TACTACTGCA AATTCAGAAT AAGTGAATTT GTTTTTTGA AAGATTAAAT		
2060	2080	2100 *
AAGTTAGTAT TACGATTTTT AGTTTGATTT GGTGGAAGT AATGTAATGT TTGAACATA		
2120	2140	2160
ATTATTTGAC AATAATTAAAG TTTTCTAGGG AATAAACGGA AATATCTTCT TCTTTTTTGT		
2180	2200 *	2220
AAAATTACTA ATGCAAGAAC AAACAACGTT TTGGGGAGCA AATAATCTAG CTTTAAGTAG		
2240	2260	2280
TCAGTGTAACTCTCAAAATC TGGTCAATAAC TTCTAGGCTG AGTTTGCTGT GCTACAGTAG		
2300 *	2320	2340
TAAGTCTATA GAAACTTACC TGACAAAACG ACATGACGTC AGGTCGAAT CTACAACTTT		
2360	2380	2400 *
TCCTTTTTCT TCAATTAAACA TATGCTTGAT TCAAGTTCCG ATCTATAATA ATTATTACG		
2420	2440	2460
ATTATCAAT TTCAATTACC TTATATCATC CTATTATAA TATAAGTCAG TTCAATTCAG		

Figure 2D

2480	2500	2520
TTTTGGAAG TTCCCAAAA	TTTTGAAATTT TATTAAATTT	ATTCCTTAAA ACCGAAATAG
	*	
2540	2560	2580
TTATATCTTT CAAATTTAAG	TTTCATTTTT CAATCCGAT	TCAATTTTCAAT CCTTTTATAA
2600	2620	2640
*		
CTCTCTATTA TCTATATA	TTTCATAATTC AAATTAATTT	TGAAATATTT ACACTTTAGT
2660	2680	2700
		*
CCCTAAGTTC AAAACTATAA	ATTTTCACTT TAGAAATTA	TCATTTTCA CATCTAAGCA
2720	2740	2760
TCARAATTTAA CCAAAATGACA	CAAAATTCAT GATTAGTTAG	ATCAAGCTTT TGAGTCTTCA
2780	2800	2820
	*	
AAACATAAAA ATTACAAAA	AAAAACAAC TTAAATCAT	TTATCAATTT GAACAACAAA
2840	2860	2880
GCTTGGCCGA ATGCTAAGAG	CTTAAAAATG GCTTCTTTTG	TTTCTTTTIG TTGCAAAACGG
2900	2920	2940
*		
TGGAGAGAAG AGGGAATGA	AGATTGACCA TATTTTPTTA	TTATGTPTTA ACATATAATA
2960	2980	3000
		*
TTAATAAATTT AATCATAATT	ATACTTTGGT GAATGTGACA	GTGGGGAGAT ACGTAAAGTA
3020	3040	3060
TTTTTAACATT ATACTTTTIG	CAAGCAGTTG GCTGGTCTAC	CCAAGAGTGA TCAAAGTTTG
3080	3100	3120

Figure 2E

AGCTGCCTTC	AATGAGCCAA	TTTTTGCCCA	TAATGGATAA	AGGCAATTG	TTTAGTTCAA
	3140		3160		3180
CTGCTCACAG	AATAATGTTA	AAATGAAATT	AAAATAAGGT	GGCCTGGTCA	CACACACAAA
	3200		3220		3240
AAAAAACTAA	TGTTGGTTCG	TTGAAATTTA	TATTACGGAA	TGTAATATTA	TATTTTAAAA
	3260		3280		3300
TAAAATTATG	TTATTTAGAT	TCTTAATATT	TTGGAGCATT	CCATACTATA	ATTTCGTAAC
	3320		3340		3360
ATAATATTAA	AATAATAGTA	TATAAAGTGT	AATTAACCTTT	AAATTACAAG	CATAATATTA
	3380		3400		3420
AATTTTGAAT	CAATTAAATT	TTATTTCTAT	TATTTTAATT	AATTTAGTCT	ATTTTTCCAA
	3440		3460		3480
AATAAAATTT	AAATCTAAAT	AAAAATAATT	TTTCCTTAAT	GTTGAAACAA	CTCATGTTAT
	3500		3520		3540
ACTTCAAAAT	TATAAGTATT	ATATTACCT	TGATGATTTA	TTTATTAGTA	TATTAATTCT
	3560		3580		3600
GATTATAAAT	ATGGTGGGAT	ACAATCGCTT	TCCACTAAAT	ATTTTAACTA	TGATTATATA
	3620		3640		3660
ATTATATTCA	ACATCGTATA	TTTACTTAAT	AATACATAAT	TTATCATAAAT	TTTATGGAAA
	3680		3700		3720

Figure 2F

TTGAGACCAA GAAACATTA GAGAACAAAT TCTATAACAA AGACAATTTA GAAAAAATG
 3740 3760 3780
 TACTTTTAGG TAATTTTAAG TACTCTTAAC CAAACACAAA AATTCAAATC AAATGAACTA
 3800 3820 3840
 AATAAGATAA TATAACATAC GGAACATCTT ACTTGTAATC TTACATTCCTC ATAATTTTAT
 3860 3880 3900
 TATGAAAAAT AATCTTATAT TACTCGAACT AAATGTTGTC ACAAATTATT ATCTAAATAA
 3920 3940 3960
 AGAAAAACAC TTAATTTTAA TAACATTTTT TCATATATTT GAAAGATTAT ATTTGTATA
 3980 4000 4020
 TTTACGTAAA AATATTGAC ATAGATTGAG CACCTTCCTA ACATAATCCC ACCATAAGTC
 4040 4060 4080
 AAGTATGTAG ATGAGAAATT GGTACAAACA ACGTGGGGCC AAATCCCACC AAACCATCTC
 4100 4120
 TCATCTCTC CTATAAAAGG CTGCTACAC ATAGACAACA ATCCACACA C AAA TAC
 <Phe Val
 4140 4160 4180
 ACG TTC TTT TCT TAT TTG ATT AAC CAT GGC TCA TAG CAT TCG TCA
 <Arg Glu Lys Arg Glu Ile Gln Asn Val Met Ala *** Leu Met Arg ***
 4200 4220
 CCC TTT CTT CCT TTT CCA ACT TTT ACT CAT AAG TGT CTC ACT AGT GAC
 <Gly Lys Lys Arg Lys Trp Ser Lys Ser Met Leu Thr Glu Ser Thr Val

Figure 2G

4240 CCG TAG CCA CAC TGT TTC GGC AGC GGC TCG ACG TTT ATT CGA GAC ACA 4280
 <Pro Leu Trp Val Thr Glu Ala Ala Ala Arg Arg Lys Asn Ser Val Cys
 4300 * 4320
 AGC AAC CTC ATC AGA GCT CCC ACA ATT GGC TTC AAA ATA CGA AAG CAC
 <Ala Val Glu Asp Ser Ser Gly Cys Asn Ala Glu Phe Tyr Ser Leu Val
 4340 4360
 GAG AGT CTG AAT ACG AAA AGC CAG AAT ACA AAC AGC CAA AGT ATC ACG
 <Leu Thr Gln Ile Arg Phe Ala Leu Ile Cys Val Ala Leu Thr Asp Arg
 4380 4400 * 4420
 AAG AGT ACT CAA AAC TTG AGA AGC CTG AAA TGC AAA AGG AGG AAA AAC
 <Leu Thr Ser Leu Val Gln Ser Ala Gln Phe Ala Phe Pro Pro Phe Val
 4440 4460
 AAA AAC CCT GCA AAC AGC ATG AAG AGT ACC ACG AGT CAC ACG AAT CAA
 <Phe Val Arg Cys Val Ala His Leu Thr Gly Arg Thr Val Arg Ile Leu
 4480 4500 * 4520
 AGG AGC AAA AAG AGT ACG AGA AAG AAA ATC TCGACGAA TTCCCCCGGG
 <Pro Ala Phe Leu Thr Arg Ser Leu Phe Asp
 4540 4560 4580
 CGTCGACGGC TAGCGAAGAT CTTCGGGCCC GTCGAGCCTT GAATCATATG ACACGGTGC
 4600 * 4620 4640
 ATGTGCCATC ATCATGCAGT AATTTCATGG TATATCGTAA TATATAGTTA ATAAAAAGA
 4660 4680 4700 *
 TCGTGATGG GAAATGTGTG TGTCATTC TCATGCACT AATGTGTAAT CTCCTTGCAT

Figure 2H

4720	4740	4760
ACATAGAAAT TCTAAATGCT TATAGTTTAT GTTATAGTGT ATGTTGTAGT GAAATTAATT		
4780	4800 *	4820
TTAAATGTTG TAICTAATGT TAACATCACT TGGCTTGATT TATGTTAAGT TATGTATTTT		
4840	4860	4880
ACTTTAATGA TATTGCATGT ATTGTTAAAT TAACATTGCT TGATCATTAAT ACTCTTCTAC		
4900 *	4920	4940
TATTAATTAT AAATGGCACT GTTTTGTTTA AACTTTTTAC AAGTTAAGAC ATGTATAAAT		
4960	4980	5000 *
ATATGACAAT ATAAATTACAG GTTTTAGTTC AATGTTAGCT ATCTTAGTAT GTTATTGATG		
5020	5040	5060
ATCTTAATTA CATTTAACA AATTCCACTT AAAATTTTAA TAAATAATAA CAAATAATTA		
5080	5100 *	5120
TTGTAATATA ATACATTAAA TGCAACAAAA AATGAAATAA ATAAAAATAA ATAGCAATAA		
5140	5160	5180
ATTGTTATAA TATTGTAATA TAATATGTAC CATATTCCTA ACTGAAATAG GGTCTAACCT		
5200 *	5220	5240
ATAATCCCTA AAATTTCACT TTAAATATTT TTATACCTAC CATATTATTA GAACTCTTTT		
5260	5280	5300 *
TAAATATATT AAAATTTTAA TTATACCAAT TTAATTAAAC TATTAAATTAT CTTAACATAA		

Figure 2I

ATCTAAAAAT	5320	TATTAATAAC	TATTAATAAA	5340	TTCTATCTAA	5360	TTTAAAACTC
TAATTAATCCT	5380	AATTTAATT	AAATTCCTAA	5400	TTATCTTAAT	5420	CTCCACCCAG
CTAGATGCTG	5440	GACCCGAATC	CGGAGATTA	5460	CATCGGCCAT	5480	TGATCAGGGT
TTGGCGCGCC	5500	GGTACCCAAT	TCGCCCTATA	5520	GTGAGTTCGT	5540	ATTACGCGCG
CCGGTTT							

Figure 2J

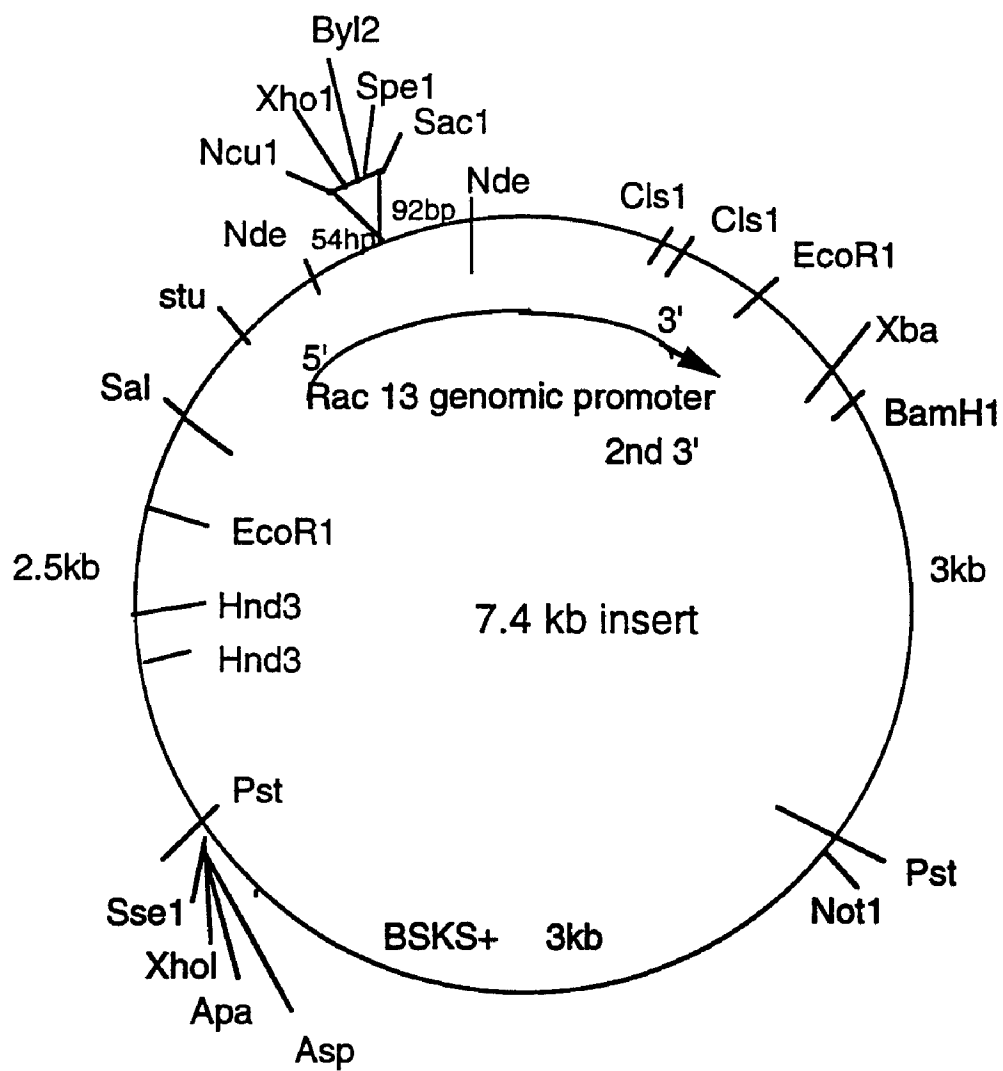


FIGURE 6

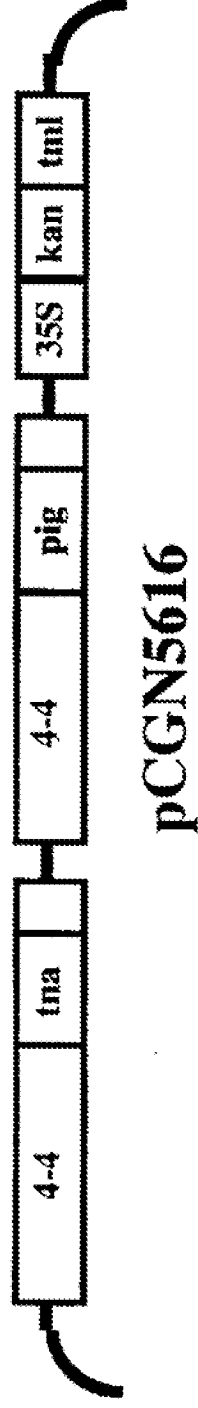
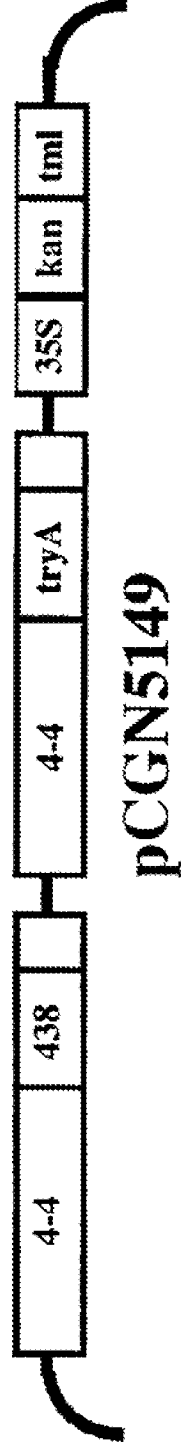


FIGURE 8